

Workflows Científicos

Diego Carvalho

Autores: Diego Carvalho, Luiz Gadelha, Kary Ocaña
Programa de Verão do LNCC, 2021
Laboratório Nacional de Computação Científica

14 de janeiro de 2021



Laboratório
Nacional de
Computação
Científica

Introdução

Experimentos Científicos

Workflows Científicos

Parsl

Mão na massa

Conclusão

Table of Contents

Introdução

Experimentos Científicos

Workflows Científicos

Parsl

Mão na massa

Conclusão

- ▶ Experimentos Científicos Computacionais
- ▶ Jim Gray disse que e-Science é onde a “tecnologia da informação se junta aos cientistas”
- ▶ Uma parte crescente da ciência e tecnologia se apoia em experimentos computacionais.
- ▶ Características destes experimentos:
 - ▶ grande quantidade de tarefas computacionais;
 - ▶ grande quantidade de dados;
 - ▶ dados armazenados em formatos diversos;
 - ▶ utilização de computação paralela e distribuída.

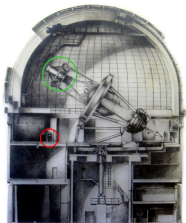
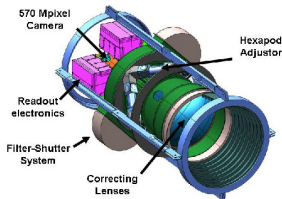
- ▶ Experimentos científicos computacionais (*in silico*) atingiram uma escala na qual:
 - ▶ é difícil tratá-los com recursos de apenas uma instituição;
 - ▶ é difícil gerenciá-los “manualmente” (scripts);
 - ▶ é difícil analisar os seus resultados, em função da quantidade de dados gerada.
- ▶ Estes experimentos são intensivos em termos de **processamento** e em termos de **dados**.

- ▶ Exemplos:
 - ▶ Modelos climáticos mais recentes geram 8TB para uma simulação de 100 anos com resolução de 100km, e 8PB para resolução de 3km.
 - ▶ *Large Hadron Collider* gera 10PB de dados brutos por dia 50PB de dados tratados por ano.
 - ▶ O SKA (*Square Kilometre Array*) será composto por 3.000 rádio-telescópios de 15m de diâmetro. Envolve 70 instituições de 20 países. O volume de dados brutos gerado diariamente será de 1 Exabyte, (2x o que trafega pela Internet por dia atualmente). Volume pós-processamento: 300 Petabytes a 1,5 Exabyte por ano.

R. Kouzes et al. The Changing Paradigm of Data-Intensive Computing. *IEEE Computer*, 42(1):26-34, 2009.

LHC the guide, <https://press.cern/press-kit>, 2017.

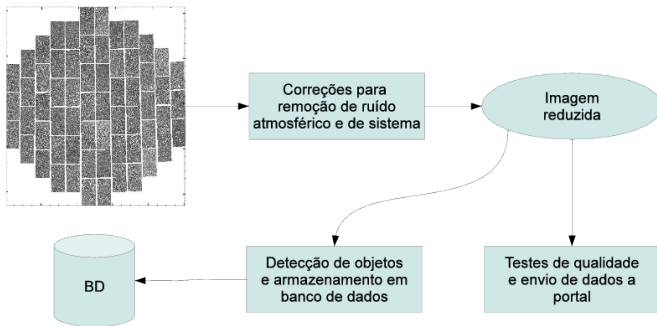
Exemplo: Dark Energy Survey (DES)



- ▶ Câmera de 570 megapixels.
- ▶ 400 imagens (6,6TB) por noite.

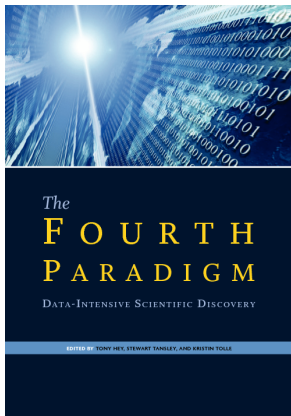
Dark Energy Survey (<http://www.darkenergysurvey.org>)

Exemplo: Workflow do DES



K. Kotwani et al. The Dark Energy Survey Data Management System as a Data Intensive Science Gateway. *Proc. of the 8th International Workshop on Middleware for Grids, Clouds and e-Science* (MGC 2010). ACM, 2010.

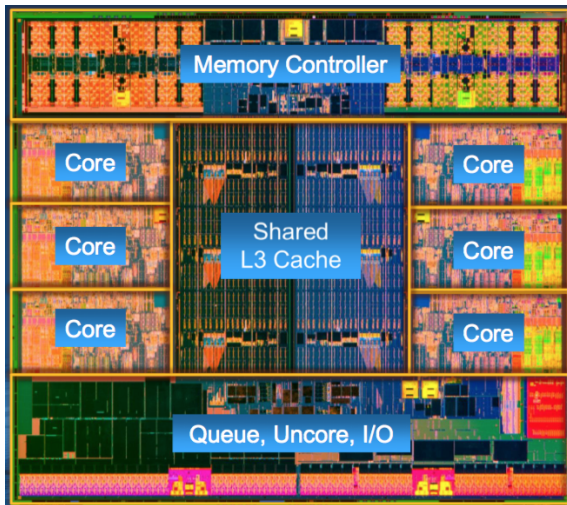
Quarto Paradigma Científico



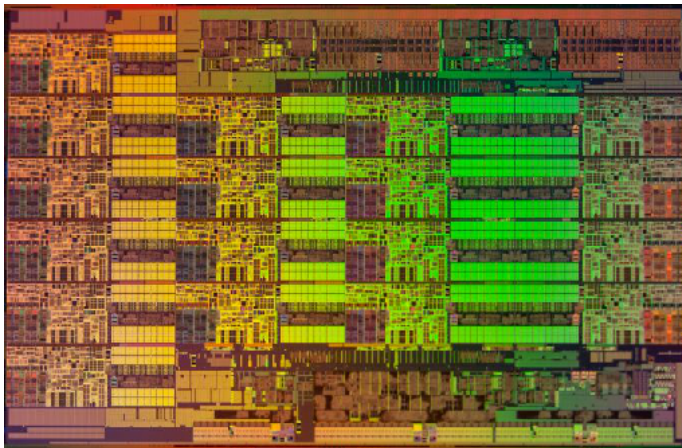
- ▶ Paradigmas anteriores: empírico, teórico e computacional (simulação).
- ▶ Habilitado por instrumentos científicos e simulações que geram grandes massas de dados.
- ▶ O quarto paradigma é baseado na análise e exploração destas massas de dados. Também chamado de e-Ciência.



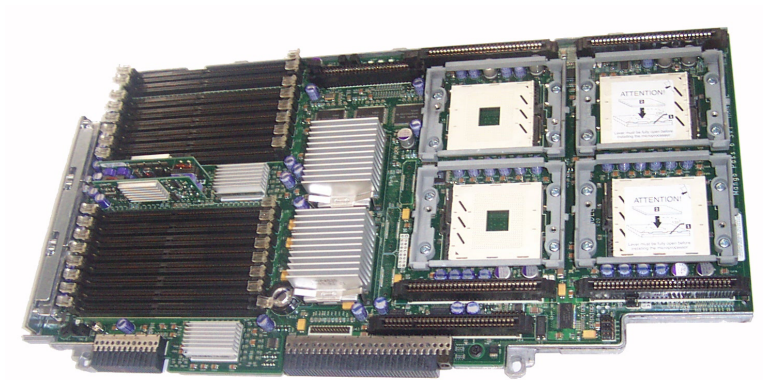
Processador Apple A8 (iPhone 6) com 2 núcleos. Fonte: Chipworks.



Processador Intel i7-4960X com 6 núcleos de processamento. Fonte: Intel.

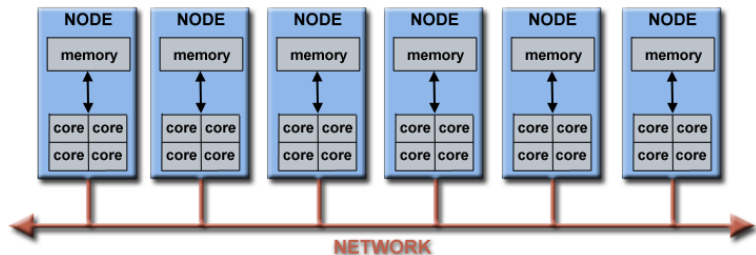


Processador Intel Xeon E7-8895 v3 com 18 núcleos de processamento. Fonte: Intel.



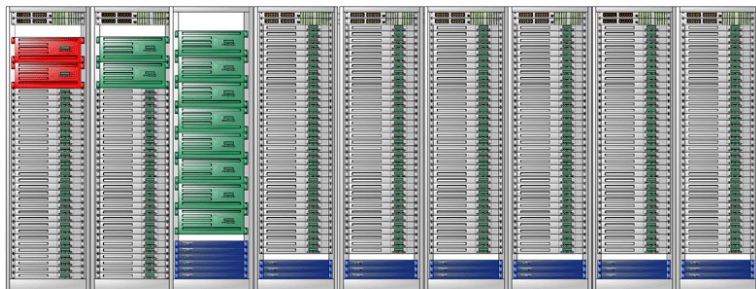
IBM EServer xSeries 445 SMP Board. Fonte: IBM.

► *Cluster* de computadores:



Fonte: Blaise Barney. Introduction to Parallel Computing. Lawrence Livermore National Laboratory. https://computing.llnl.gov/tutorials/parallel_comp/

► *Cluster de computadores:*



 compute node



login / remote partition server node

 infiniband switch



gateway node

 management hardware

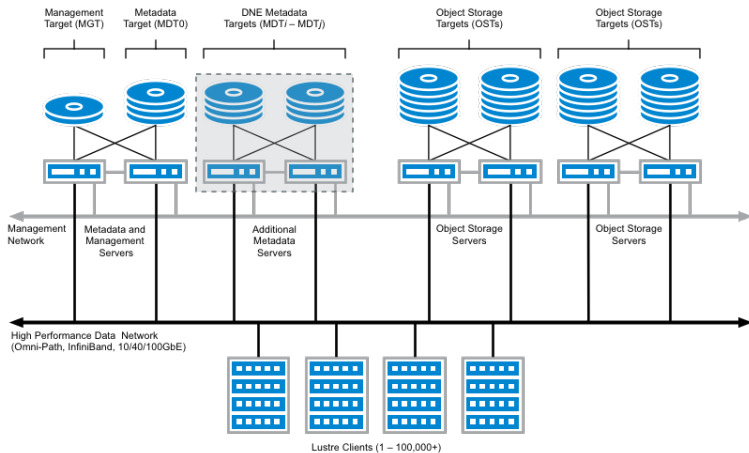
Fonte: Blaise Barney. Introduction to Parallel Computing. Lawrence Livermore National

Laboratory. https://computing.llnl.gov/tutorials/parallel_comp/

Hierarquia

- ▶ núcleo
- ▶ processador
- ▶ nó de processamento
- ▶ cluster
- ▶ site
- ▶ centro de recursos

► *Lustre* sistema de arquivamento:



Fonte: Lustre Wiki. https://wiki.lustre.org/Introduction_to_Lustre

Table of Contents

Introdução

Experimentos Científicos

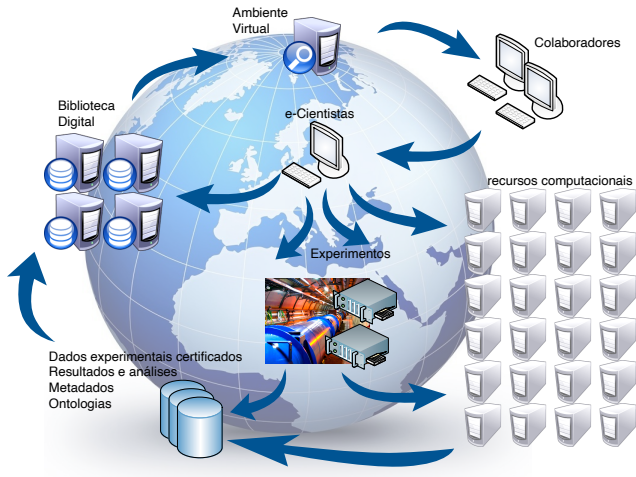
Workflows Científicos

Parsl

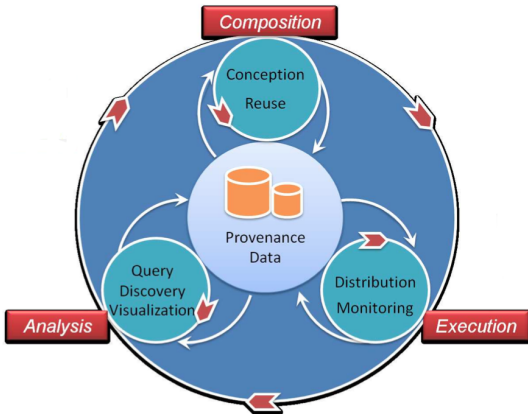
Mão na massa

Conclusão

Experimentos Científicos Computacionais



Ciclo de Vida de Experimentos Científicos



M. Mattoso, et al., Towards supporting the life cycle of large scale scientific experiments.

International Journal of Business Process Integration and Management 5(1):79–92, 2010.

- ▶ **Composição.** Especificação das atividades e dos dados que serão utilizados. Pode incluir o reuso de especificações de experimentos similares.
- ▶ **Execução.** Mapeamento, distribuição e inicialização das atividades do experimento em tarefas concretas executadas em recursos computacionais. Inclui também o monitoramento das mesmas e a movimentação dos dados necessários.
- ▶ **Análise.** Avaliação do experimento através dos resultados obtidos, p. ex. dados de saída. Pode se basear também em consultas aos registros de eventos da execução (proveniência).

M. Mattoso et al. Desafios No Apoio à Composição De Experimentos Científicos Em Larga Escala. *Anais do XXXVI Seminário Integrado De Software e Hardware (SEMISH), XXIX Congresso Da Sociedade Brasileira De Computação (CSBC)*, p. 307-321, 2009.

- ▶ **Abstração.** Deve ser possível ao cientista especificar o experimento em alto nível, sem precisar detalhar aplicações específicas e onde elas serão executadas.
- ▶ **Reprodutibilidade.** O experimento pode ser reproduzido por terceiros de forma independente.
D. Koop et al. A Provenance-Based Infrastructure for Creating Executable Papers. *Proceedings of the ICCS*, 2011.
- ▶ **Reutilização.** Deve ser possível reutilizar especificações de experimentos realizados previamente para concepção de novos experimentos.
Exemplo: MyExperiment (<http://www.myexperiment.org>).
- ▶ **Escalabilidade.** O experimento deve ser resiliente ao aumento do número de tarefas e da quantidade de dados.

- ▶ Experimentos em larga escala normalmente requerem o uso de computação paralela e distribuída:
 - ▶ **Computação paralela.** Utilização de múltiplos processadores de forma concorrente para reduzir o tempo de execução de atividades.

I. Foster. *Designing and Building Parallel Programs: Concepts and Tools for Parallel Software Engineering*. Addison-Wesley, 1994.
 - ▶ **Computação em grade.** Compartilhamento de recursos computacionais heterogêneos e distribuídos.

I. Foster e C. Kesselman, Eds. *The Grid 2: Blueprint for a New Computing Infrastructure*. Morgan Kaufmann, 2003.
 - ▶ **Computação na nuvem.** Utilização de recursos de terceiros.

D. Oliveira, F. Baião e M. Mattoso. *Towards a Taxonomy for Cloud Computing from an e-Science Perspective*. *Cloud Computing*, pp. 47–62. Springer, 2010.

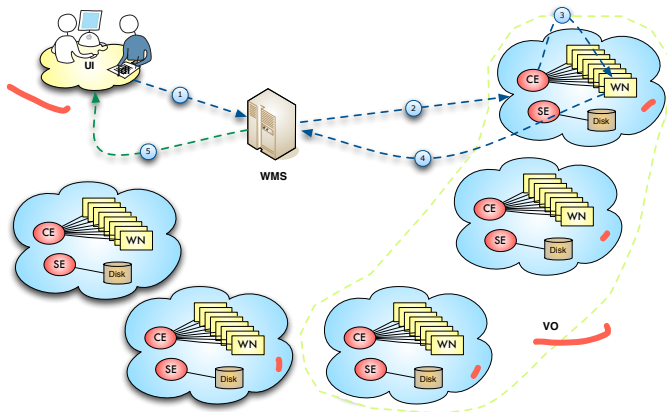
- ▶ Os grandes experimentos utilizam de paralelismo em diversos níveis, variando de clusters até HPC
- ▶ Diversas ferramentas computacionais dos experimentos exploram códigos paralelos para viabilizar experimentos

- ▶ A realização destes experimentos requer o compartilhamento de recursos computacionais distribuídos.
- ▶ Computação em grade permite ganhos de escala em termos de processamento.
- ▶ Gerência de dados em grades é uma área em desenvolvimento.

Foster, I. (2001). The Anatomy of the Grid: Enabling Scalable Virtual Organizations. *International Journal of High Performance Computing Applications*, 15(3), 200–222.
<http://doi.org/10.1177/109434200101500302>

- ▶ Uma **grade computacional** é uma infra-estrutura composta de software e hardware que provê recursos computacionais de alto desempenho.
- ▶ Tais recursos podem estar distribuídos entre múltiplas instituições sob domínios administrativos distintos.
- ▶ O *Globus* é um conjunto de ferramentas para implementação de grades computacionais.

► Malha:



Fonte: D.Carvalho. Controle distribuído de Workflows em malhas computacionais. Rio de

Janeiro: UFRJ/COPPE, 2010.

Exemplo: Large Hadron Collider (LHC)

- ▶ Acelerador de partículas de 27km de circunferência localizado na fronteira da França e Suíça (CERN).
- ▶ Projeto colaborativo envolvendo cerca de 100 países e 10.000 cientistas.
- ▶ Composto por seis detectores que geram cerca de ~~15PB~~ de dados por ano.
- ▶ LHC Computing Grid (LCG):
 - ▶ Estrutura de computação distribuída organizada de forma hierárquica, para execução de diferentes partes do ~~workflow~~ do experimento:
 - ▶ Tier 0: processamento de dados brutos dos detectores,
 - ▶ Tier 1: reconstrução e pré-processamento,
 - ▶ Tier 2: simulação e análise.

Exemplo: Mapa do LCG



Fonte: CERN (<https://wlcg-public.web.cern.ch/>)

- ▶ Consiste das aplicações disponibilizadas como serviços através da Internet e da infraestrutura (hardware e software) necessária para disponibilizá-las.
- ▶ Diferentes tipos de serviços:
 - ▶ *Software as a Service* (SaaS): Google Docs.
 - ▶ *Platform as a Service* (PaaS): Google App Engine, Amazon Lambda.
 - ▶ *Infrastructure as a Service* (IaaS): Amazon EC2.
- ▶ Tipos de nuvem:
 - ▶ Pública: disponível ao público em geral, cobrada conforme utilização.
 - ▶ Privada: não disponível ao público em geral (interna a uma organização).

Armbrust, M. et al. (2010). A view of cloud computing. *Communications of the ACM*, 53(4), 50-58.

Table of Contents

Introdução

Experimentos Científicos

Workflows Científicos

Parsl

Mão na massa

Conclusão

- ▶ Um **workflow científico** consiste da especificação de um encadeamento de aplicações científicas a serem executadas e de dependências mútuas.
- ▶ Segue um ciclo de vida análogo ao dos experimentos científicos computacionais:
 - ▶ Composição, representação e modelagem de dados.
 - ▶ Mapeamento e execução.
 - ▶ Coleta de metadados e proveniência.
- ▶ Um **sistema de gestão de workflows científicos (SGWC)** permite gerenciar o ciclo de vida de workflows científicos.

Liu, J., Pacitti, E., Valduriez, P., Mattoso, M. (2015). A Survey of Data-Intensive Scientific Workflow Management. *Journal of Grid Computing*, 13(4), 457–493.

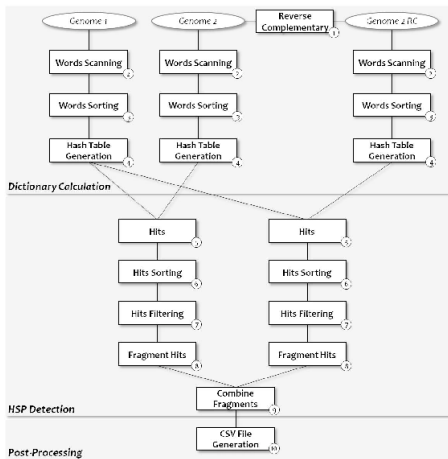
- ▶ **Sistemas de gerência de workflows científicos (SGWC)** visam a automação de experimentos científicos computacionais:
 - ▶ escalonamento de tarefas baseado em dependências de dados;
 - ▶ fluxo de dados entre tarefas;
 - ▶ execução paralela de tarefas independentes;
 - ▶ escalonamento de tarefas em ambientes de computação de alto desempenho;
 - ▶ gerência e consulta de dados de proveniência.



Sequenciador Roche 454 FLX gera 12GB a 15GB por rodada de sequenciamento.
Dados processados por várias aplicações:

- ▶ filtragem por qualidade de dados gerados pelo sequenciador.
- ▶ formatação de dados.
- ▶ comparação das sequências com bases de dados conhecidas.

Exemplo: SwiftGECKO (genômica comparativa)



Mondelli, M. L., ..., Gadelha, L. M. R. (2018). BioWorkbench: A High-Performance Framework for Managing and Analyzing Bioinformatics Experiments. arXiv:1801.03915. <http://arxiv.org/abs/1801.03915>

- ▶ Clareza
- ▶ Facilidade na criação de fluxos corretos (corretude)
- ▶ Facilidade na verificação dos resultados
- ▶ Reportabilidade
- ▶ Reusabilidade
- ▶ Modelagem de dados
- ▶ Otimização automática

McPhillips, T., et al. "Scientific workflow design for mere mortals", *Future Generation Comp Sy*, v. 25, n. 5, pp. 541–551, 2009.

- ▶ Acoplamento de tarefas e transferência de dados entre tarefas de um workflow.
- ▶ Modelos de programação, interface com o usuário, comunicação entre tarefas e portabilidade.
- ▶ Monitoramento: andamento de execução, algoritmos para detecção de anomalias.
- ▶ Validação de execução de workflow:
 - ▶ reproduzir um workflow no mesmo ou em outro ambiente computacional,
 - ▶ comparar a execução com modelos de desempenho e com a proveniência coletada durante a execução,
 - ▶ comparar os resultados científicos com o que era esperado.

Deelman, E. et al. (2018). The future of scientific workflows. The International Journal of High Performance Computing Applications, 32(1), 159–175. <https://doi.org/10.1177/1094342017704893>

- ▶ Workflows científicos típicos:
 - ▶ *Bag of tasks* (MG-RAST, DOCK),
 - ▶ Múltiplos estágios que usam arquivos como dados intermediários (Montage, BLAST),
 - ▶ Aplicações distribuídas com pares chave-valor intermediários (histogramas de dados para física de altas energias),
 - ▶ Cadeias de tarefas do tipo MapReduce (mineração de grafos),
 - ▶ Aplicações iterativas com variação no número de tarefas (otimização, filtros de Kalman),

Deelman, E. et al. (2018). The future of scientific workflows. *The International Journal of High Performance Computing Applications*, 32(1), 159–175. <https://doi.org/10.1177/1094342017704893>

- ▶ Workflows científicos podem ser executados *in situ* ou de forma distribuída.
- ▶ No caso *in situ*:
 - ▶ Processamento de dados, triagem, filtragem, análise ou visualização podem ocorrer enquanto o workflow está executando.
 - ▶ Essas ações ocorrem antes de se mover dados para fora de um supercomputador para análises adicionais
- ▶ Não estão disponíveis ferramentas de workflow de propósito geral amplamente adotadas que funcionem tanto *in situ* como em ambientes distribuídos.

Deelman, E. et al. (2018). The future of scientific workflows. The International Journal of High Performance Computing Applications, 32(1), 159–175. <https://doi.org/10.1177/1094342017704893>

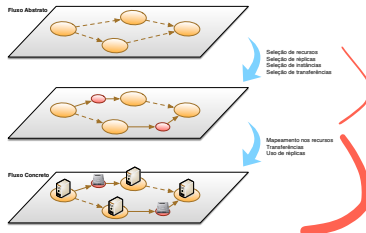
- ▶ Motivações para workflows *in situ*:
 - ▶ HPC
 - ▶ minimização da movimentação de dados através da exploração da localidade de dados, processando os dados *in place*
 - ▶ apoiar análises interativas (*human in the loop*),
 - ▶ captura de proveniência para suportar a análise interativa e permitir execução adaptativa do experimento (*user steering*)

Deelman, E. et al. (2018). The future of scientific workflows. The International Journal of High Performance Computing Applications, 32(1), 159–175. <https://doi.org/10.1177/1094342017704893>

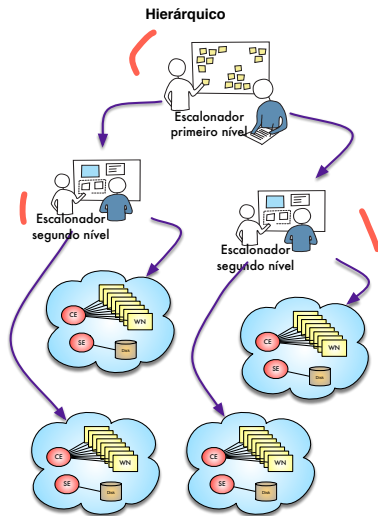
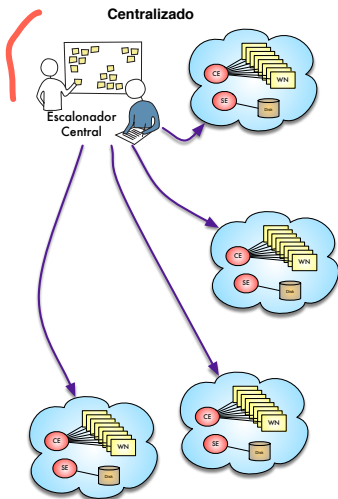
Composição de Workflows Científicos

Etapa em que são definidas as aplicações componentes e as dependências de dados. Níveis de especificação:

- ▶ Abstrato: tarefas abstratas, descritas por funcionalidade geral (p. ex., comparação de seqüências)
- ▶ Concreto: aplicações científicas e conjuntos de dados específicos

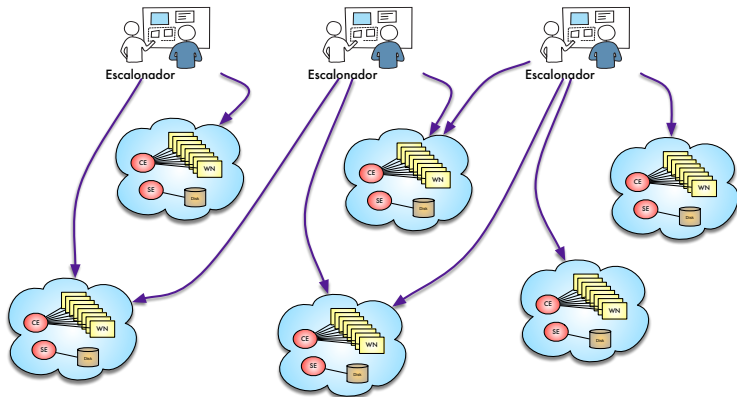


Sequenciamento (1/2)



Sequenciamento (2/2)

Distribuído



- ▶ Representação:
 - ▶ Textual: linguagem de programação.
 - ▶ Gráfica: interface gráfica onde nós são tarefas e arestas são dependências.

Exemplo: Composição Textual

```
type fastaseq;
type headerfile;
type indexfile;
type seqfile;
type database
{
  headerfile phr;
  indexfile pin;
  seqfile psq;
}
type query;
type output;
string num_partitions=@arg("n", "8");
string program_name=@arg("p", "blastp");
fastaseq dbin <single_file_mapper;file=@arg("d", "database");>;
query query_file <single_file_mapper;file=@arg("i", "sequence.seq");>;
string expectation_value=@arg("e", "0.1");
output blast_output_file <single_file_mapper;file=@arg("o",
"output.html");>;

string filter_query_sequence=@arg("F", "F");
fastaseq partition[] <ext;exec="splitmapper.sh",n=num_partitions>;

app (fastaseq out[]) split_database (fastaseq d, string n)
{
  fastasplitn @filename(d) n;
}

app (database out) formatdb (fastaseq i)
{
  formatdb "-i" @filename(i);
}

app (output o) blastapp(query i, fastaseq d, string p, string e, string f,
database db)
{
  blastall "-p" p "-i" @filename(i) "-d" @filename(d) "-o" @filename(o)
"-e" e "-T" "-F" f;
}

app (output o) blastmerge(output o_frgs[])
{
  blastmerge @filename(o) @filenames(o_frgs);
}

partition=split_database(dbin, num_partitions);

database formatdbout[] <ext; exec="formatdbmapper.sh",n=num_partitions>;
output out[] <ext; exec="outputmapper.sh",n=num_partitions>;

foreach part,i in partition {
  formatdbout[i] = formatdb(part);
  out[i]=blastapp(query_file, part, program_name, expectation_value,
filter_query_sequence, formatdbout[i]);
}

blast_output_file=blastmerge(out);
```

Exemplo: Composição Gráfica

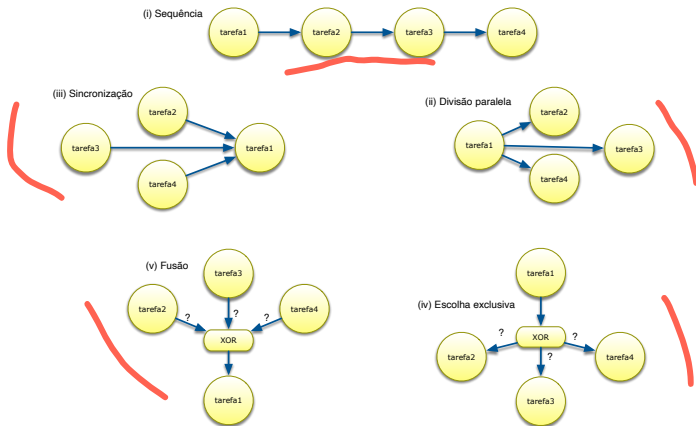
The screenshot displays the Taverna Workbench 2.1.0 interface. On the left, the 'Service panel' shows a list of available services, including Biomart, Biomoby, Soaplab, and WSDL. Below this, the 'Workflow explorer' shows the structure of the selected workflow, 'EBI_InterProScan_poll_job', detailing its input and output ports and the services it uses.

The main area shows a 'Workflow diagram' for 'EBI_InterProScan_poll_job'. The workflow starts with 'Workflow input ports' including 'Input_data_type_defaultValue', 'Sequence_or_ID', 'Email_address', and 'Job_params_gotems...'. The process begins with an 'Input_data' activity, followed by 'Content_list' and 'runInterProScan'. The 'runInterProScan' activity has its own 'Workflow input ports' (Job_ID) and 'Workflow output ports' (is_done, Job_status). It connects to 'Get_XML_result', 'Get_text_result', and 'Unpack_XML_result'. 'Get_XML_result' leads to 'Unpack_XML_result', which then connects to 'Format_as_GFF'. 'Get_text_result' leads to 'Unpack_text_result', which connects to 'Format_as_GFF'. 'Format_as_GFF' produces 'Workflow output ports' including 'InterProScan_XML_result', 'InterProScan_GFF', 'InterProScan_text_result', and 'Job_ID'.

Fonte: Taverna (<http://www.taverna.org.uk>)

Composição de Workflows científicos: Padrões (1/2)

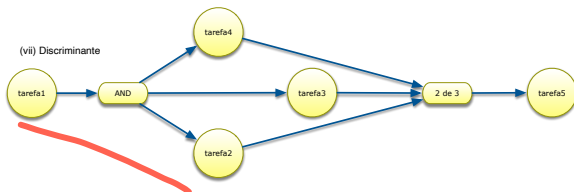
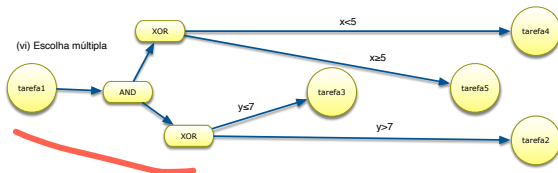
Foram identificados 43 padrões de composição de workflows.



W. van der Aalst et al. Workflow Patterns. *Distributed and Parallel Databases* 14(1):5-51.

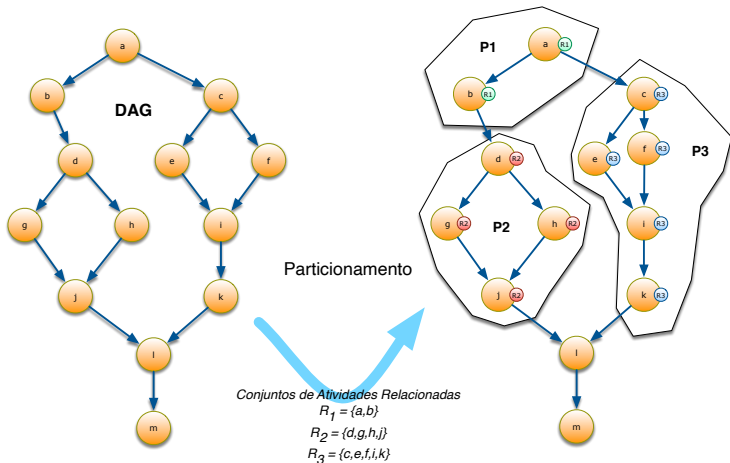
2003.

Composição de Workflows científicos: Padrões (2/2)



Fonte: D.Carvalho. Controle distribuído de Workflows em malhas computacionais. Rio de Janeiro: UFRJ/COPPE, 2010.

Exemplo: Abstrato .vs. Concreto

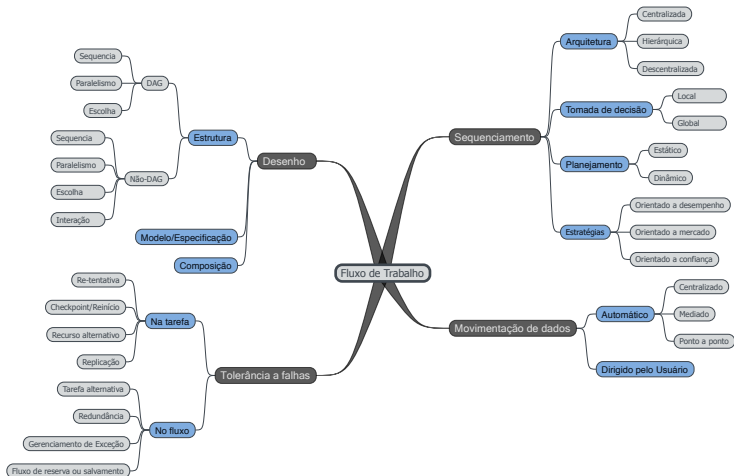


Fonte: D.Carvalho. Controle distribuído de Workflows em malhas computacionais. Rio de

Janeiro: UFRJ/COPPE, 2010.

- ▶ Coleta de eventos do ciclo de vida do workflow:
 - ▶ Mudanças e evolução da especificação.
 - ▶ Consumo e produção de dados por aplicações componentes executadas.
- ▶ Gerência de metadados relacionados ao domínio científico (semântica do experimento).
- ▶ Serviço de consulta a metadados e proveniência.
- ▶ Objetivos: reprodutibilidade, verificação, análise.

Taxonomia dos Workflows



Fonte: D.Carvalho. Controle distribuído de Workflows em malhas computacionais. Rio de

Janeiro: UFRJ/COPPE, 2010.

Table of Contents

Introdução

Experimentos Científicos

Workflows Científicos

Parsl

Mão na massa

Conclusão

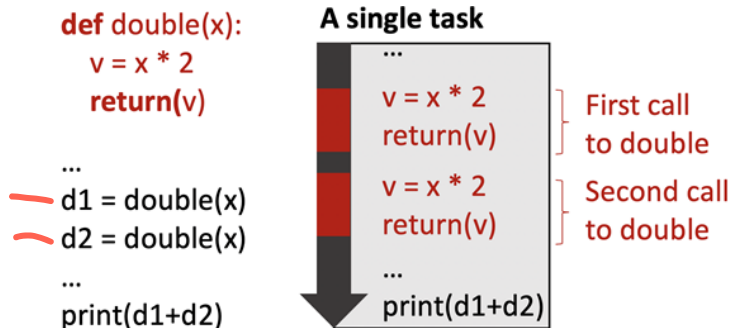
- ▶ Parsl é uma biblioteca para o Python que permite gerenciar workflows científicos paralelos.
- ▶ O paralelismo é implícito e baseado nas dependências das aplicações componentes do workflow.
- ▶ O motor de execução inclui diversas opções de execução, desde multithreading local a execução em supercomputadores com Swift/T.

<http://parsl-project.org/>.

Babuji, Y. et al. (2018). Parsl : Scalable Parallel Scripting in Python. In 10th International Workshop on Science Gateways (IWSG 2018).

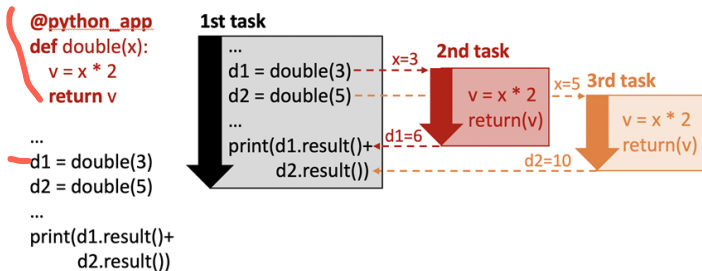
ParSI é desenhado para fazer a orquestração de tarefas assíncronas de workflows em Python. Ele gerencia a execução das tarefas através de diversos recursos computacionais (laptops até supercomputadores).

- ▶ as tarefas são funções escritas em Python “com anotações” que indicam que elas são execução concorrente
- ▶ usa código Python padrão para invocar as funções anotadas e garante as dependências do fluxo através Futures e Data-Futures
- ▶ Futures e Data-Futures são conceitos fundamentais



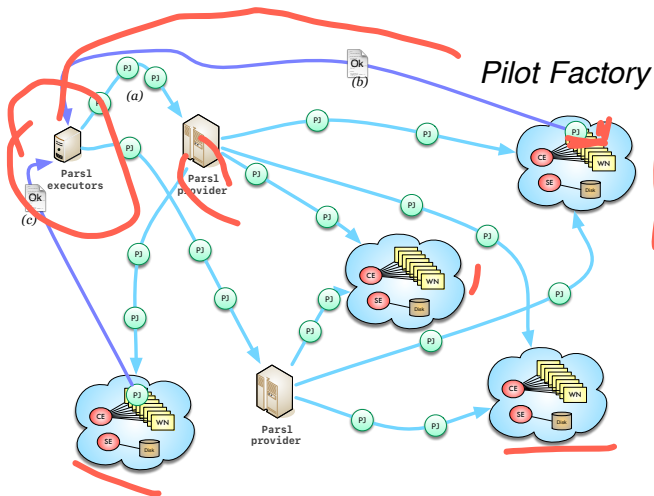
Fonte: <https://parsl.readthedocs.io/en/stable/userguide/>

Parsl - Visão geral (4/4)



Fonte: <https://parsl.readthedocs.io/en/stable/userguide/>

- ▶ As tarefas Parsl são executadas em conjunto com o programa principal (em Python)
- ▶ Os parsl.executors fornecem os recursos para o Parsl sequenciar o workflow
- ▶ Os recursos podem ser locais ou remotos
- ▶ Alguns `parsl.executors` (`HighThroughputExecutor`) implementam a execução através de *Pilot Jobs*



Fonte: D.Carvalho. Controle distribuído de Workflows em malhas computacionais. Rio de Janeiro: UFRJ/COPPE, 2010.

Instalação do Parsl

- ▶ Tutorial baseado em <https://parsl.readthedocs.io>
- ▶ Parsl requer Python \geq 3.5.

```
$ pip3 install parsl  
$ pip3 install jupyter
```

- ▶ No Santos Dumont

```
$ module add python/3.8.2
```

Verificando a versão do Parsl

```
$ python3
>>> import parsl
>>> from parsl.app.app import python_app, bash_app
>>> from parsl.configs.local_threads import config
>>> print(parsl.__version__)

1.0.0
```

Carregando a configuração

- ▶ O Parsl permite expressar como o workflow é composto.
- ▶ Os detalhes de tempo de execução devem ser carregados de um arquivo de configuração.

```
>>> from parsl.configs.local_threads import config
>>> parsl.load(config)

<parsl.dataflow.dflow.DataFlowKernel at 0x7fed94bf32b0
>
```

- ▶ Baseados em *future*, *promise*, *delay*, and *deferred theory*(*)
- ▶ Os valores de retorno e parâmetros também tem por objetivo a sincronização
- ▶ Mesma ideia do Python `concurrent.futures` (introduzido no Python 3.2)
- ▶ Tem valor especial (não atribuído) até o que representa seja concretizado
- ▶ O método `result()` bloqueia a tarefa (ou aplicação principal) se o resultado ainda não estiver pronto
- ▶ O método `done()` verifica se o resultado já está disponível (retorna `True` ou `False`)

Promise in 1976 by Daniel P. Friedman and David Wise.

Eventual in 1976 by Peter Hibbard.

Future in 1977 by Henry Baker and Carl Hewitt.

Com Futures

```
@python_app
```

```
def double(x):
```

```
    v = x * 2
```

```
    return v
```

```
...
```

```
d1 = double(3)
```

```
d2 = double(5)
```

```
...
```

```
print(d1.result()+
```

```
      d2.result())
```

1st task

```
...
```

```
d1 = double(3)
```

```
d2 = double(5)
```

```
...
```

```
print(d1.result()+
```

```
      d2.result())
```

2nd task

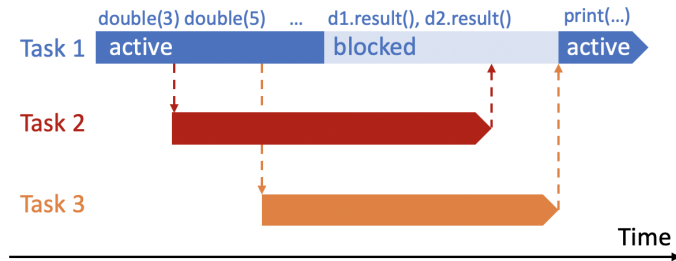
```
v = x * 2
```

```
return(v)
```

3rd task

```
v = x * 2
```

```
return(v)
```



Fonte: <https://parsl.readthedocs.io/en/stable/userguide/>

- ▶ A especificação das tarefas em Parsl é feita através de Apps.
- ▶ Parsl provê suporte aos seguintes tipos de Apps:
 - ▶ código nativo em Python (python_app),
 - ▶ programas executados via de linha de comando (bash_app).

- ▶ Uma App do tipo Python é declarado usando o decorador `@python_app`.

```
@python_app
def hello ():
    return 'Hello World!'

print(hello().result())
```

```
@python_app
def multiply (a, b):
    return a * b

print(multiply(5,9).result())
```

- ▶ Apps Python podem ser executadas em recursos remotos, as dependências devem ser carregadas na definição da App.

```
@python_app
def slow_hello():
    import time
    time.sleep(5)
    return 'Hello World!'

print(slow_hello().result())
```

- ▶ tarefas do Parsl, escritas em Python e que se comunicam com o programa Parsl principal através de parâmetros e valores de retorno (função)
- ▶ se os parâmetros forem Futures, dependências automáticas são criadas
- ▶ podem se comunicar através de arquivos (parâmetros especiais)

```
# Omissis...
@python_app
def echo(inputs=[], outputs=[]):
    with open(inputs[0], 'r') as in_file, open(outputs
    [0], 'w') as out_file:
        out_file.write(in_file.readline())

echo(inputs=['in.txt'], outputs=['out.txt'])
```

- ▶ Uma App do tipo Python é declarado usando o decorador `@bash_app`.

```
@bash_app
def echo_hello(stdout='echo-hello.stdout',
               stderr='echo-hello.stderr'):
    return 'echo "Hello World!"'

echo_hello().result()

with open('echo-hello.stdout', 'r') as f:
    print(f.read())
```

Parsl Bash App

- ▶ tarefas do Parsl para aplicações externas
- ▶ não retornam valor, sincronização via result() e done()
- ▶ podem se comunicar através de arquivos (parâmetros especiais)
- ▶ dependências automáticas são criadas em Futures

```
# Omissis...
@bash_app -
def echo(arg, inputs=[], stderr=parsl.AUTO_LOGNAME,
         stdout=parsl.AUTO_LOGNAME):
    return f'echo {arg} {inputs[0]} {inputs[1]}'

future = echo('Hello', inputs=['World', '!'])
future.result() # block until task has completed

with open(future.stdout, 'r') as f:
    print(f.read()) # prints "Hello World !"
```

Passagem de parâmetros para Apps

Parâmetros podem ser tipos primitivos e objetos serializáveis (i.e., Numpy Arrays, Pandas DataFrames, marshalable objetos).

```
import parsl
from parsl import python_app

parsl.load()

@python_app
def double(x):
    return x * 2

# invoke the Python app and print the result (8)
print(double(2).result()+double(2).result())
```

- ▶ As palavras-chaves `inputs` e `outputs` podem ser usadas nas declarações das Apps para expressar as dependências de dados.
- ▶ Vamos supor que geramos três arquivos de texto:

```
$ echo "hello 1" > /tmp/hello1.txt  
$ echo "hello 2" > /tmp/hello2.txt  
$ echo "hello 3" > /tmp/hello3.txt
```

- ▶ Eles podem ser processados pelo App cat da seguinte forma:

```
@bash_app
def cat(inputs=[], outputs=[]):
    return 'cat %s > %s' %(" ".join(inputs), outputs
[0])

concat = cat(inputs=['/tmp/hello1.txt', '/tmp/hello2.
txt', '/tmp/hello3.txt'],
            outputs=[File('all_hellos.txt')])

# Open the concatenated file
with open(concat.outputs[0].result().filepath, 'r') as
    f:
    print(f.read())
```


DataFutures

- ▶ Cada chamada a uma App pode especificar outputs, que são DataFutures.
- ▶ DataFutures são monitorados para garantir que sejam criados e passados para Apps que dependem deles.

```
@bash_app
def slowecho(message, outputs=[]):
    return 'sleep 5; echo %s &> {outputs[0]}' % (
        message)

hello = slowecho('Hello World!',
                 outputs=[os.path.join(os.getcwd(), 'hello-
                             world.txt')])

print(hello.outputs)
[<DataFuture at 0x10e0b29b0 state=running>]

print(hello.outputs)
[<DataFuture at ... state=finished returned hello-
    world.txt>]
```

Memória e *Name space* não são necessariamente compartilhados entre a aplicação principal python e as tarefas (ThreadPoolExecutor vs HighThroughputExecutor)

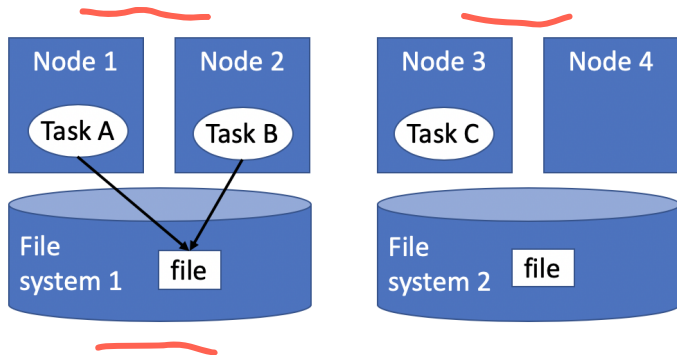
```
# Omissis...

factor = 5

@python_app
def good_double(factor, x):
    import random
    return x * random.random() * factor

print(good_double(factor, 42).result())
```

Arquivos Parsl



Fonte: <https://parsl.readthedocs.io/en/stable/userguide/>

- ▶ Parsl pode utilizar arquivos em tarefas Parsl como unidade de comunicação entre tarefas através de parâmetros de entrada e saída
- ▶ Esses arquivos são interessantes quando:
 - ▶ os dados trocados não são serializáveis em objetos Python
 - ▶ os dados são de tamanho significativo
 - ▶ as tarefas são desenhadas para utilizar arquivos como entrada e saída
- ▶ os `parsl.data_provider.files.File` são independentes de localização
- ▶ quando usados como parâmetros de entrada e saída, eles entram no grafo de dependências do workflow e são transmitidos antes da execução da tarefa

- ▶ permite referência e acesso independente de *fylesystem*
- ▶ pode ser FTP, HTTP, HTTPS: in-task staging, Globus, rsync

```
# Omissis...
@python_app
def print_file(inputs=[]):
    with open(inputs[0].filepath, 'r') as inp:
        content = inp.read()
        return(content)

# create an remote Parsl file
f = File('https://github.com/Parsl/parsl/blob/master/
        README.rst')

# call the print_file app with the Parsl file
r = print_file(inputs=[f])
r.result()
```

Extende a classe `concurrent.futures` do Python

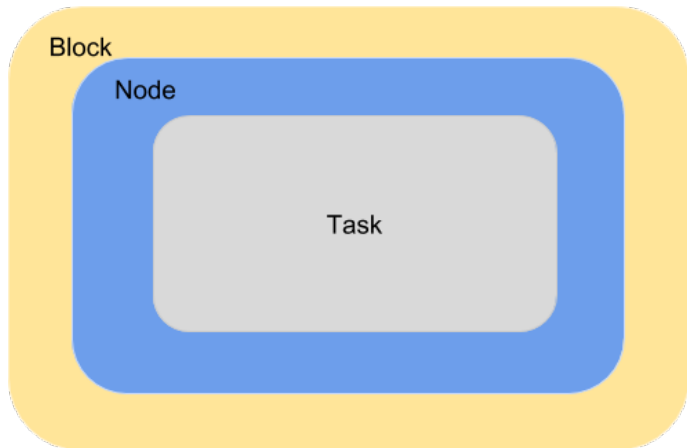
- ▶ `ThreadPoolExecutor` (multi-thread local)
- ▶ `HighThroughputExecutor` (hierárquico através de Pilot Jobs)
- ▶ `WorkQueueExecutor` (em Beta)
- ▶ `ExtremeScaleExecutor` (em Beta)

Parsl Execution Providers

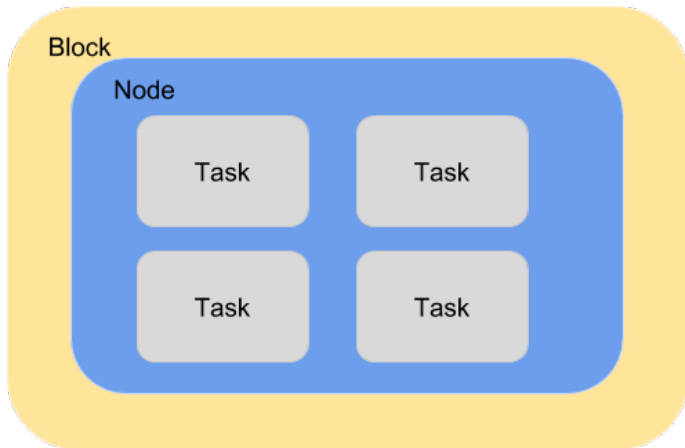
- ▶ LocalProvider
- ▶ CobaltProvider
- ▶ SlurmProvider
- ▶ CondorProvider
- ▶ GridEngineProvider
- ▶ TorqueProvider
- ▶ AWSProvider
- ▶ GoogleCloudProvider
- ▶ JetstreamProvider
- ▶ KubernetesProvider
- ▶ AdHocProvider
- ▶ LSFProvider

Implementa mecanismos para disparo de tarefas através dos nós pelos Executors

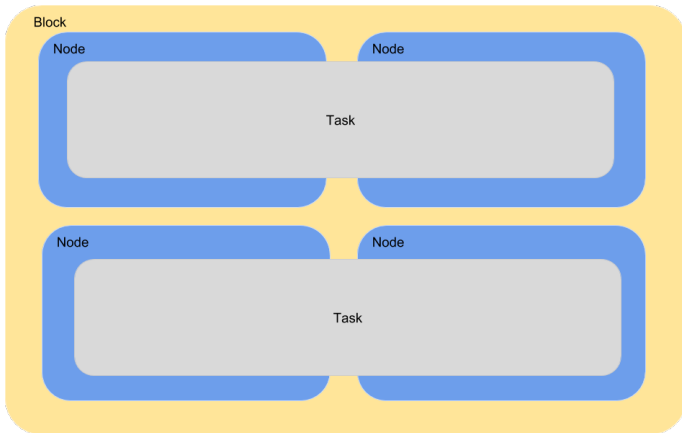
- ▶ SrunLauncher: (Srun based launcher para sistemas baseados em Slurm)
- ▶ AprunLauncher: (Aprun based launcher para Crays)
- ▶ SrunMPILauncher: (Para disparo de aplicações MPI em sistemas com Srun)
- ▶ GnuParallelLauncher: (usa GNU parallel)
- ▶ MpiExecLauncher: (implementa Mpiexec)
- ▶ SimpleLauncher: (default)
- ▶ SingleNodeLauncher: (implementa workers_per_node)



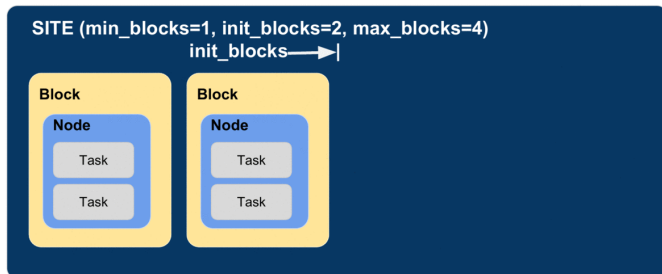
Fonte: <https://parsl.readthedocs.io/en/stable/userguide/>



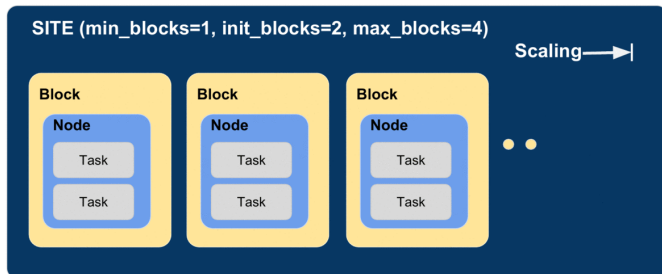
Fonte: <https://parsl.readthedocs.io/en/stable/userguide/>



Fonte: <https://parsl.readthedocs.io/en/stable/userguide/>



Fonte: <https://parsl.readthedocs.io/en/stable/userguide/>



Fonte: <https://parsl.readthedocs.io/en/stable/userguide/>

- Configuração com múltiplas *threads* locais:

```
from parsl.config import Config
from parsl.executors.threads import ThreadPoolExecutor

local_threads = Config(
    executors=[
        ThreadPoolExecutor(
            max_threads=8,
            label='local_threads'
        )
    ]
)
```

► Configuração com *job* piloto:

```
from parsl.providers import LocalProvider
from parsl.channels import LocalChannel
from parsl.config import Config
from parsl.executors import HighThroughputExecutor
local_htex = Config(
    executors=[
        HighThroughputExecutor(
            label="htex_Local",
            worker_debug=True,
            cores_per_worker=1,
            provider=LocalProvider(
                channel=LocalChannel(),
                init_blocks=1,
                max_blocks=1, ), ),
    strategy=None, )
```

- Configuração para acesso remoto ao SLURM:

```
from parsl.providers import SlurmProvider
from parsl.channels import SSHChannel
from parsl.launchers import SrunLauncher
...
config = Config(
    executors=[
        IPyParallelExecutor(
            ...
            provider=SlurmProvider(
                'debug',
                channel=SSHChannel(
                    hostname='login.sdumont.lncc.br',
                    username='diego.carvalho',
                    ...
                )
            )
        )
    ]
)
```


Implementa *Lazy fail* e o workflow continua mesmo que uma tarefa falhou. Motivos de falha de um workflow Parsl:

- ▶ a tarefa falha (*Python exception* ou *return value* diferente de zero)
- ▶ Tarefa falhou no disparo por motivo de dependência (DAG)
- ▶ Erro no string de definição de uma Bash App
- ▶ A tarefa completou, mas não produziu um dos outputs
- ▶ A tarefa estourou o Walltime

- ▶ App caching (results)
- ▶ App equivalence (code objects)
- ▶ Checkpointing
- ▶ Monitoring

Cálculo de π com Monte Carlo

- ▶ Estimar π jogando dardos em um quadrado unitário.
- ▶ Calcular o percentual que acerta um círculo unitário:
 - ▶ Área do quadrado: $r^2 = 1$.
 - ▶ Área do círculo no quadrante: $\frac{\pi r^2}{4} = \frac{\pi}{4}$.
- ▶ Jogando dardos randomicamente em posições x, y .
- ▶ Se $x^2 + y^2 < 1$, o ponto estará dentro do círculo.
- ▶ A proporção que acertará dentro ($\frac{\text{acertos}}{\text{tentativas}}$) esperada é $\frac{\text{acertos}}{\text{tentativas}} = \frac{\pi r^2}{4r^2} = \frac{\pi}{4}$.
- ▶ Logo $\pi = 4 \frac{\text{acertos}}{\text{tentativas}}$

Exemplo de workflow Parsl

```
@python_app
def pi(total):
    import random
    width = 10000
    center = width/2
    c2 = center**2
    count = 0
    for i in range(total):
        # Drop a random point in the box.
        x,y = random.randint(1, width),
              random.randint(1, width)
        # Count points within the circle
        if (x-center)**2 + (y-center)**2 < c2:
            count += 1
    return (count*4/total)
```

Exemplo de workflow Parsl

```
@python_app
def mysum(a,b,c):
    return (a+b+c)/3

a, b, c = pi(10**6), pi(10**6), pi(10**6)
avg_pi = mysum(a, b, c)
```

Table of Contents

Introdução

Experimentos Científicos

Workflows Científicos

Parsl

Mão na massa

Conclusão

Voltamos 17h

O que vamos fazer

- ▶ Alguns exemplos do tipo: Hello Workflow
- ▶ Padrões
 - ▶ Bag of tasks
 - ▶ Sequential workflows
 - ▶ Parallel workflows
 - ▶ Parallel workflows com loops
 - ▶ MapReduce
- ▶ Exemplos de configuração —
- ▶ Exemplos no Santos Dumont (sequenciamento hierárquico)

Table of Contents

Introdução

Experimentos Científicos



Workflows Científicos

Parsl

Mão na massa

Conclusão

- ▶ Uma introdução de e-Science e Workflows
- ▶ Workflows
- ▶ Parsl
- ▶ Mão na massa

Obrigado!

E-mail: `d.carvalho@ieee.org`

```
git clone git@github.com:diegomcarvalho/2021-ProgramaVeraoSD.git
```